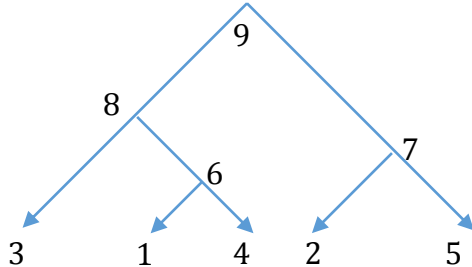


## ۱ شبیه‌سازی coalescent

برای شبیه‌سازی درخت coalescent، گره‌های داخلی درخت را نیز نام‌گذاری می‌کنیم و الگوریتم را برای یک نمونه‌ی  $n$  تایی با  $V_0 = \{1, \dots, n\}$  و  $T_n = 0$  شروع می‌گردد. شکل زیر نمونه‌ای از شبیه‌سازی درخت از پایین را نمایش می‌دهد.



$$\begin{aligned} V_3 &\rightarrow \{7,8\} \\ V_2 &\rightarrow \{3,6,7\} \\ V_1 &\rightarrow \{2,3,5,6\} \\ V_0 &\rightarrow \{1,2,3,4,5\} \end{aligned}$$

### ۱-۱ الگوریتم ساخت درخت از پایین

قرار بده  $V_0 = \{1, \dots, n\}$  و  $T_n = 0$  و برای  $k = 0, 1, \dots, n-2$  انجام بده:

- دو عدد تصادفی  $i_k$  و  $j_k$  را از  $V_k$  انتخاب کن
- قرار بده  $V_{k+1} = (V_k - \{i_k, j_k\}) \cup \{n+k+1\}$
- در درخت دو گره‌ی  $i_k$  و  $j_k$  را به  $n+k+1$  وصل کن
- $t_{n-k}$  را یک نمایی مستقل با متوسط  $\frac{1}{\binom{n-k}{2}}$  قرار بده (توزیع نمایی با پارامتر  $\lambda = \binom{n-k}{2}$ )
- قرار بده  $T_{n-k-1} = T_{n-k} + t_{n-k}$

نکته: توزیع نمایی را به سادگی می‌توان با توزیع یکنواخت و به صورت

$$t_{n-1} = \frac{1}{\binom{n-k}{2}} \ln\left(\frac{1}{U_k}\right)$$

که  $U_k$ ها مستقل می‌باشند شبیه‌سازی نمود.

برای آن که بتوانیم جهش را شبیه‌سازی نماییم، می‌توانیم تابع والد (ancestor) را به صورت

$$anc[i_k] = n+k+1, anc[j_k] = n+k+1$$

استفاده کنیم. بدین ترتیب تعداد جهش‌های روی یک یال که دارای توزیع پواسون با متوسط  $\frac{\theta}{2}(T_{anc[i]} - T_i)$  می‌باشد را شبیه‌سازی نماییم ( $\theta = 4N\mu$ ).

## ۲ ساخت درخت coalescent از بالا (genealogical)

به طور کلی می‌توانیم درخت را به صورت دیگری نیز نمایش دهیم. در مرحله‌ی  $T_1$ ، کل افراد در یک مجموعه‌ی واحد  $\{1, \dots, n\}$  قرار می‌گیرند و در مرحله‌ی  $T_2$  عناصر به دو مجموعه تفکیک گردیده و  $T_3$  به سه مجموعه و الی آخر.

$$\begin{aligned} T_1 &\rightarrow \{1,2,3,4,5\} \\ T_2 &\rightarrow \{1,3,4\}\{2,5\} \\ T_3 &\rightarrow \{1,4\}\{2,5\}\{3\} \\ T_4 &\rightarrow \{1,4\}\{2\}\{3\}\{5\} \\ T_5 &\rightarrow \{1\}\{2\}\{3\}\{4\}\{5\} \end{aligned}$$

اگر  $\varepsilon_n$  را مجموعه‌ی تمام تقسیم‌های ممکن برای  $\{1, \dots, n\}$  قرار دهیم، به ازای هر  $\xi \in \varepsilon_n$ ،  $|\xi|$  را تعداد مجموعه‌هایی که  $\xi$  را تشکیل می‌دهند قرار می‌دهیم. هم‌چنین تفکیک‌های زمان  $T_i$  را که در آن برای اولین بار  $i$  شاخه<sup>۱</sup> بوجود آمده است را به صورت  $\xi_i^n$  نمایش می‌دهیم.

### ۱-۲ قضیه (Kingman 1982a):

اگر  $\xi$  یک تفکیک مجموعه‌ی  $\{1, \dots, n\}$  باشد که برای آن  $|\xi| = i$  است، آنگاه

$$P(\xi_i^n = \xi) = C_{n,i} w(\xi)$$

که در آن

$$w(\xi) = \lambda_1! \dots \lambda_i!$$

است و  $\lambda_i$  ها تعداد عناصر مجموعه‌های تفکیک شده می‌باشند. هم‌چنین ثابت  $C_{n,i}$  به صورت

$$C_{n,i} = \frac{i!}{n!} \times \frac{(n-i)! (i-1)!}{(n-1)!}$$

انتخاب می‌شود که مجموع احتمالات برابر یک گردد.

اثبات: از استقرا برای اثبات قضیه Kingman استفاده می‌کنیم.

پایه‌ی استقرا: در حالت پایه  $|\xi| = i = n$  است و تفکیک  $\{1, \dots, n\}$  به  $n$  زیرمجموعه تنها به شکل  $\xi = \{\{1\}, \dots, \{n\}\}$  ممکن است که به احتمال ۱ اتفاق می‌افتد. از طرفی برای این حالت  $C_{n,i}$  و  $w(\xi)$  هردو برابر یک است و لذا رابطه در حالت پایه‌ی استقرا برقرار می‌باشد.

فرض استقرا:

<sup>۱</sup> lineage

نکته: وزن های  $W(\xi)$  به گونه‌ای تعریف شده است که به تفکیک‌های غیرمساوی وزن بیشتری می‌دهد. به عنوان مثال برای یک مجموعه‌ی ۹ عضوی در حالی که  $i = 3$  باشد، تفکیک‌های زیر با وزن‌های داده شده بدست می‌آید.

$$\begin{cases} 3 - 3 - 3 \rightarrow 216 \\ 4 - 3 - 2 \rightarrow 288 \\ 5 - 2 - 2 \rightarrow 480 \\ 4 - 4 - 1 \rightarrow 576 \\ 5 - 3 - 1 \rightarrow 720 \\ 6 - 2 - 1 \rightarrow 1440 \\ 7 - 1 - 1 \rightarrow 5040 \end{cases}$$

## ۲-۲ قضیه:

اگر  $\pi$  یک جایگشت تصادفی از  $\{1, \dots, n\}$  بوده و  $\lambda_j = |\xi_{i,\pi(j)}^n|$  باشد که در آن  $\pi(j)$  عنصر  $j$ ام از جایگشت تصادفی  $\pi$  باشد، آنگاه  $(\lambda_1, \dots, \lambda_i)$  به طور یکنواخت بر روی بردارهای مثبتی که دارای مجموع  $n$  می‌باشند توزیع می‌گردد.

اثبات: اگر مجموعه‌های داخل  $\xi$  را به صورت تصادفی ردیف نماییم، هر کدام از ردیف‌ها دارای احتمال

$$\frac{C_{n,i} W(\xi)}{i!}$$

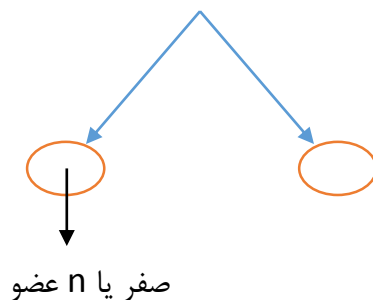
می‌باشند. از طرفی تعداد حالت‌هایی که می‌توانند بردار  $(\lambda_1, \dots, \lambda_i)$  را ایجاد نمایند برابر با

$$\frac{n!}{\lambda_1! \dots \lambda_i!}$$

است. با ضرب کردن این دو کمیت به احتمال  $\frac{1}{(n-i)}$  برای یک ردیف خاص با تعداد عناصر  $(\lambda_1, \dots, \lambda_i)$  می‌رسیم. چون کمیت تنها به  $i$  و  $n$  ربط داشته و مستقل از  $\lambda_j$  می‌باشد، پس توزیع یکنواخت است. تعداد جواب‌های مثبت معادله‌ی  $\sum_{j=1}^i \lambda_j = n$  برابر  $\binom{n-1}{i-1}$  خواهد بود.

## ۳-۲ قضیه

احتمال آنکه جد مشترک یک جمعیت با جد مشترک یک نمونه‌ی  $n$  تایی آن برابر باشد با میل جمعیت به سمت بی‌نهایت معادل  $\frac{n-1}{n+1}$  خواهد بود. اثبات: اگر جدا بخواهند متفاوت باشند، بایستی از مرحله‌ی اول تفکیک‌پذیری جمعیت، هر  $n$  عنصر نمونه در یک شاخه قرار گیرند.



اگر  $n = x_1 + x_2$  باشد، دو جواب  $x_1 = 0, x_2 = n$  و  $x_1 = n, x_2 = 0$  مطلوب هستند که احتمال آن برابر  $\frac{2}{n+1}$  است. اگر  $x$  را نسبت تعداد نمونه‌ها در مجموعه‌ی اول بدانیم، دارای توزیع یکنواخت بوده و

$$\int_0^1 x^n + (1-x)^n dx = \frac{2}{n+1}$$

و احتمال یکسان بودن برابر است با  $1 - \frac{2}{n+1}$  که نتیجه‌ی دلخواه می‌باشد.

## ۲-۴ قضیه (ساخت درخت coalescent از بالا):

برای آن که  $\xi_i^n$  را از روی  $\{\xi_{i-1}^n = \eta\}$  بسازیم، یکی از مجموعه‌ها را با احتمال انتخاب

$$P[A_j] = \frac{\lambda_j - 1}{n - i - 1}$$

که  $|A_j| = \lambda_j$  به طور تصادفی انتخاب می‌کنیم و  $A_j$  را به دو مجموعه با اندازه‌های  $k$  و  $\lambda_j - k$  که در آن  $k$  توزیع یکنواخت بر روی  $1, 2, \dots, \lambda_j - 1$  دارد تفکیک می‌نماییم.

اثبات: کفایت  $P[\xi_i^n = \xi | \xi_{i-1}^n = \eta]$  را محاسبه می‌کنیم. خواهیم داشت

$$P[\xi_i^n = \xi | \xi_{i-1}^n = \eta] = \frac{P[\xi_i^n = \eta | \xi_{i-1}^n = \xi] P[\xi_i^n = \xi]}{P[\xi_{i-1}^n = \eta]}$$

که تمام احتمالات را قبلاً محاسبه نموده‌ایم. لذا با جاگذاری داریم:

$$\begin{aligned} P[\xi_i^n = \xi | \xi_{i-1}^n = \eta] &= \frac{1}{n - i + 1} \times \frac{k! (\lambda_j - k)!}{\lambda_j!} \times 2 \\ &= \frac{\lambda_j - 1}{n - i + 1} \times \frac{1}{\lambda_j - 1} \times \frac{2}{\binom{\lambda_j}{k}} \end{aligned}$$

که سه جمله به ترتیب (از چپ)، احتمال انتخاب  $A_j$ ، احتمال تفکیک  $k$  و تخصیص عناصر به مجموعه‌ی  $k$  تایی است.

## ۳ مدل wright-fisher دو Allele و Fixation

صفحات ۲۲ تا نیمه‌ی ۲۵ توسط استاد تدریس نشد!

### ۱-۳ Hetrozygosity

احتمال آن که یک جفت انتخاب شده در مرحله‌ی  $n$  با یکدیگر متفاوت باشند.

$$H_n^0 = \frac{X_n(2N - X_n)}{\binom{2N}{2}}$$

### ۲-۳ قضیه:

قرار دهید  $h(n) = E[H_n^0]$  که متوسط Hetrozygosity در مرحله‌ی  $n$  می‌باشد. در مدل Wright-Fisher

$$h(n) = \left(1 - \frac{1}{2N}\right)^n h(0)$$

می باشد.

اثبات ۱: با توجه به آن که یک توزیع دوجمله‌ای دارای خواص

$$E[x] = np ; E[X^2] = n^2p^2 + np(1 - p)$$

است، می توان به سادگی فهمید که

$$\begin{aligned} E[H_n^0 | X_{n-1}] &= \frac{2NE[X_n | X_{n-1}] - E[X_n^2 | X_{n-1}]}{\binom{2N}{2}} \\ &= \frac{2N X_{n-1} - X_{n-1}^2 - X_{n-1} \left(1 - \frac{X_{n-1}}{2N}\right)}{\binom{2N}{2}} \\ &= \left(1 - \frac{1}{2N}\right) \frac{X_{n-1}(2N - X_{n-1})}{\binom{2N}{2}} \\ &= \left(1 - \frac{1}{2N}\right) H_{n-1}^0 \end{aligned}$$

و امید گرفتن از طرفین به جواب مطلوب می‌رسیم.

اثبات ۲: اگر دو موجود را در مرحله‌ی  $n$ ام نگاه کنیم، احتمال آن که این دو متفاوت باشند به آن باز می‌گردد که والدین آنها متفاوت باشند و این احتمال برابر  $1 - \frac{1}{2N}$  است. این عمل بایستی تا مرحله‌ی آغازین پیش رفته  $\left(1 - \frac{1}{2N}\right)$  و در آن جا احتمال متفاوت بودن برابر با  $h(0)$  است.